



**INNOWACYJNA  
GOSPODARKA**  
NARODOWA STRATEGIA SPÓJNOŚCI



**UNIA EUROPEJSKA**  
EUROPEJSKI FUNDUSZ  
ROZWOJU REGIONALNEGO



## **Oferta stypendialna nr 10/Team/2010**

**Nazwa stanowiska:** Postdoc w projekcie „ Modelowanie RNA i kompleksów białko-RNA: od sekwencji przez struktury do funkcji”

**Liczba stypendiów:** 3

**Instytucja oferująca stypendium (zakład/instytut/wydział/uczelnia/instytucja, miasto):**

Laboratorium Bioinformatyki i Inżynierii Białka, Międzynarodowy Instytut Biologii Molekularnej i Komórkowej w Warszawie

Maksymalny czas trwania kontraktu: 3 lata

**Data rozpoczęcia pracy:** 01.07.2010 – bioinformatyk/programista

01.01.2011 – biochemik/doświadczalnik

01.05.2011 – bioinformatyk/modelarz

**Kwota stypendium:** 6000 zł/miesiąc, z czego 5000 zł stanowi stypendium (nie podlega opodatkowaniu)

**Ubezpieczenie emerytalne i rentowe:** TAK

**Zadania badawcze:**

1. Wszyscy kandydaci będą prowadzić wysokiej klasy badania w ramach programu TEAM poprzez ścisłą współpracę z doświadczalnikami i bioinformatykami
2. Wszyscy kandydaci będą dokumentować swoje badania, przygotowywać regularne sprawozdania oraz prezentować wyniki
3. Wszyscy kandydaci będą koordynować i nadzorować projekty realizowane przez współpracujących z nimi młodszych członków grupy

Dodatkowo, w zależności od stanowiska:

- bioinformatyk/programista będzie:  
projektował, tworzył i używał bazy danych i oprogramowanie komputerowe służące do analizy szlaków metabolicznych z udziałem kwasów nukleinowych  
analizował dane używając narzędzi opracowanych w zespole prof. Bujnickiego i w innych zespołach
- biochemik/doświadczalnik będzie:

badał tworzenie i funkcjonowanie kompleksów i oddziaływania białek, RNA i ligandów rozwijał i stosował metody do analizy struktur i funkcji makrocząsteczek biologicznych

- bioinformatyk/modelarz będzie:  
stosował opracowane w zespole prof. Bujnickiego i w innych zespołach w celu tworzenia i weryfikacji modeli strukturalnych makrocząsteczek i ich kompleksów przeprowadzał analizy filogenetyczne, interpretował przewidywania w kontekście dostępnych danych doświadczalnych; celem analiz jest tworzenie przewidywań funkcjonalnych.

### **Oczekiwania wobec kandydatów:**

1. Niezbędne: Wszyscy kandydaci muszą mieć doktorat.
2. Niezbędne: Bardzo dobra znajomość języka angielskiego w mowie i w piśmie
3. Niezbędne: cechy takie jak umiejętność pracy w grupie, naukowa kreatywność i zdolność do samodzielnej pracy

Dodatkowo, w zależności od stanowiska:

- bioinformatyk/programista:  
Niezbędne: udokumentowane doświadczenie i zaawansowane umiejętności programowania w językach Python i C++  
Niezbędne: doświadczenie z MySQL oraz tworzeniem baz danych  
Pożądane: doświadczenie w bioinformatycznych analizach kwasów nukleinowych  
Pożądane: doświadczenie w dziedzinie ontologii biologicznych  
Pożądane: doświadczenie w analizach szlaków metabolicznych
- biochemik/doświadczalnik:  
Niezbędne: udokumentowane doświadczenie w biologii molekularnej i biochemii białek i RNA  
Pożądane: doświadczenie w spektrometrii masowej białek i/lub kwasów nukleinowych  
Pożądane: doświadczenie w SAXS, EM, FRET i technikach sieciowania  
Pożądane: doświadczenie w analizach modyfikacji RNA i enzymów modyfikujących RNA  
Pożądane: doświadczenie w enzymologii, inżynierii białka
- bioinformatyk/modelarz:  
Niezbędne: udokumentowane doświadczenie w przewidywaniu struktury białek i w modelowaniu z użyciem technik porównawczych i de novo  
Niezbędne: doświadczenie w filogenetyce molekularnej  
Pożądane: doświadczenie w bioinformatycznych analizach RNA  
Pożądane: doświadczenie w dokowaniu makromolekularnym  
Pożądane: doświadczenie w pracy z danymi pochodzącymi z doświadczeń SAXS, EM, FRET i sieciowania  
Pożądane: udokumentowany udział w CASP i/lub CAPRI  
Pożądane: udokumentowane umiejętności programowania i pisanie/używania skryptów

### **Lista wymaganych dokumentów**

1. Życiorys w języku angielskim (format PDF)
2. list motywacyjny i kontakt (tel., e-mail) do co najmniej dwóch referencji, w tym do co najmniej jednego byłego przełożonego

**Dodatkowe informacje o rekrutacji (strona www):**

<http://genesilico.pl>

Imię i nazwisko laureata prowadzącego projekt w ramach, którego oferowane jest stypendium:  
Prof. dr hab. Janusz M. Bujnicki

**Adres przesyłania zgłoszeń:** [iamb@genesilico.pl](mailto:iamb@genesilico.pl)

Termin nadsyłania zgłoszeń: 31.05.2010 – bioinformatyk/programista

30.11.2010 – biochemik/doświadczalnik i

bioinformatyki/modelarz

Prosimy o zamieszczenie następującej klauzuli w przesłanej dokumentacji:

„Wyrażam zgodę na przetwarzanie moich danych osobowych, zawartych w ofercie stypendialnej dla potrzeb niezbędnych dla realizacji procesu rekrutacji, zgodnie z Ustawą z 29.08.97 roku o Ochronie Danych Osobowych Dz.U. nr 133 poz. 883”.

Jednostka przedstawiająca ofertę stypendialną zastrzega sobie prawo kontaktu z wybranymi kandydatami.