

Kaja Milanowska

Lista publikacji

z dnia 31 października 2013

Prace oryginalne (rozdziały w książkach zbiorowych, artykuły w czasopismach):

1. Philips A, **Milanowska K**, Lach G, Bujnicki JM *LigandRNA: computational predictor of RNA-ligand interactions*. RNA 2013 Dec;19(12):1605-16.
2. **Milanowska K**, Mikolajczak K, Lukasik A, Skorupski M, Balcer Z, Machnicka MA, Nowacka M, Rother KM, Bujnicki JM *RNApathwaysDB – a database of RNA maturation and decay pathways*. Nucleic Acids Res 2013 Jan 1;41(D1):D268-72 [Epub ahead of print 2012 Nov 15 doi:10.1093/nar/gks1052]
3. Machnicka MA, **Milanowska K**, Osman Oglu O, Purta E, Kurkowska M, Olchowik A, Januszewski W, Kalinowski S, Dunin-Horkawicz S, Rother KM, Helm M, Bujnicki JM, Grosjean H *MODOMICS: a database of RNA modification pathways: 2012 update* Nucleic Acids Res 2013 Jan 1;41(D1): D262-D267 [Epub ahead of print 2012 Oct 30 doi:10.1093/nar/gks1007]
4. Philips A, **Milanowska K**, Lach G, Boniecki M, Rother K, Bujnicki JM *MetalionRNA: computational predictor of metal-binding sites in RNA structures* Bioinformatics 2012 Jan 15;28(2):198-205
5. Rother M, **Milanowska K**, Puton T, Jeleniewicz J, Rother K, Bujnicki JM *ModeRNA server: an online tool for modeling RNA 3D structures* Bioinformatics 2011 Sep 1;27(17):2441-2.
6. **Milanowska K**, Krwawicz J, Papaj G, Kosinski J, Poleszak K, Lesiak J, Osinska E, Rother K, Bujnicki JM *REPAIRtoire – a database of DNA repair pathways*. Nucleic Acids Res 2011 Jan;39 (Database issue):D788-92
7. Kaminska KH, **Milanowska K**, Bujnicki JM „*The basics of protein sequence analysis*”, [w:] „*Prediction of Protein Structures, Functions and Interactions*”, Bujnicki JM, Wiley & Sons, 2009,
8. Krol J, Sterga J, **Milanowska K**, Dorota Nowak, Ewa Kubiacyk, Nowak D, Majorek K, Kaminska K and Krzyszosiak WJ „*Structural features of miRNAs and their precursors*”, [w:] „*microRNA: Biology, Function & Expression*”, Clarke NJ i Sanseau P, DNA Press, 2006,
9. **Milanowska K**, Majorek K, Krzyszosiak WJ „*Biogeneza, mechanizm działania i funkcje mikroRNA*”, [w:] „*Proteomika i Genomika w Biologii i Medycynie, XXIII Zimowa Szkoła Instytutu Farmakologii PAN*”, Przewłocka B., 2006,

Prace przeglądowe (raporty, suplementy, recenzje naukowe, opracowania źródłowe):

1. **Milanowska K**, Rother K, Bujnicki JM *Databases and bioinformatics tools for the study of DNA repair*. Mol Biol Int 2011, 475718. [Epub 2011 Jul 14] doi:10.4061/2011/475718

Prace pokonferencyjne i doniesienia zjazdowe:

1. **Milanowska K**, Balcer Z, Łukasik A, Mikolajczak K, Skorupski M, Rother K, Bujnicki J, ***RNApathwaysDB – a database of RNA maturation and decay***, 11 Warsztaty Bioinformatyczne i 6 Zjazd Polskiego Towarzystwa Bioinformatycznego, 27-29.09.2013, Wrocław, prezentacja ustna, Book of Abstracts, 15 s.
2. **Milanowska K**, Krwawicz J, Papaj P, Kosiński J, Poleszak K, Lesiak J, Osińska E, Kristian Rother K, Bujnicki J ***REPAIRtoire – a database of DNA repair pathways***, konferencja FEBS Congress 2013, 6-11.07.2013, Petersburg, Rosja, poster SW01.S3–11, Book of Abstracts, 56 s.
3. Philips A, **Milanowska K**, Lach G, Bujnicki JM ***LigandRNA: computational predictor of RNA-ligand interactions***, konferencja FEBS Congress 2013, 6-11.07.2013, Petersburg, Rosja, poster SW06.W29–6, Book of Abstracts, 538 s..
4. Bujnicki JM, Machnicka MA, **Milanowska K**, Oglou OO, Purta E, Piatkowski P, Kurkowska M, Olchowik A, Rother KM, Helm M, Grosjean H ***MODOMICS: a database of RNA modification pathways***, konferencja FEBS Congress 2013, 6-11.07.2013, Petersburg, Rosja, poster SW01.S2–59, Book of Abstracts, 39 s.
5. Philips A, **Milanowska K**, Lach G, Boniecki M, Rother K, Bujnicki J ***New Computational Methods for Predicting RNA-Metal Ion and RNA-Ligand Interactions***, konferencja Bioinformatics in Torun (BIT12), 27-29.09.2012, Toruń, poster, Book of Abstracts, 53 s.
6. **Milanowska K**, Balcer Z, Łukasik A, Mikolajczak K, Skorupski M, Rother K, Bujnicki J, ***RNApathwaysDB – a database of RNA maturation and decay***, konferencja Bioinformatics in Torun (BIT12), 27-29.09.2012, Toruń, poster, Book of Abstracts.
7. **Milanowska K**, Balcer Z, Łukasik A, Mikolajczak K, Skorupski M, Rother K, Bujnicki J, ***RNB – a database of RNA metabolic pathways***, konferencja 17th Annual RNA Society Meeting, 29.05 – 2.06.2012, Ann Arbor, poster, Book of Abstracts, 142 s.
8. Philips A, **Milanowska K**, Lach G, Boniecki M, Rother K, Bujnicki J, ***Genesilico Web Servers for Predicting of RNA -Metal Ion and -Ligand Interactions***, konferencja 17th Annual RNA Society Meeting, 29.05 – 2.06.2012, Ann Arbor, poster, Book of Abstracts, 142 s.
9. **Milanowska K**, Balcer Z, Łukasik A, Mikolajczak K, Skorupski M, Rother K, Bujnicki J, ***RNB – a database of RNA metabolic pathways***, konferencja Multi-Pole Approach to Structural Biology, 16-19.11.2011, Warszawa, poster, Book of Abstracts, 217 s.
10. Philips A, **Milanowska K**, Rother K, Bujnicki J ***MetallonRNA: A web server for predicting metal-binding sites in RNA structures***, konferencja Multi-Pole Approach to Structural Biology, 16-19.11.2011, Warszawa, poster, Book of Abstracts, 229 s.
11. **Milanowska K**, Krwawicz J, Papaj P, Kosiński J, Poleszak K, Lesiak J, Osińska E, Kristian Rother K, Bujnicki J ***REPAIRtoire – a database of DNA repair pathways***, konferencja ISMB/ECCB, 17-19.07.2011, Wiedeń, Book of Abstracts, poster Z36.
12. **Milanowska K**, Krwawicz J, Papaj P, Kosiński J, Poleszak K, Lesiak J, Osińska E, Kristian Rother K, Bujnicki J ***REPAIRtoire – a database of DNA repair pathways***, EMBO Young Scientists Forum, 30.06-1.07.2011, Warszawa, poster, Book of Abstracts, 90 s.

13. **Milanowska K**, Kasprzak J, Rother M, Puton T, Rother K, Bujnicki J ***ModeRNA: a program for comparative RNA modeling and ModeRNA server for RNA structure modeling and analysis***, Stanford-Sweden multiresolution molecular modeling workshop, 20-22.06.2011, Uppsala, wykład
14. Philips A, **Milanowska K**, Rother K, Bujnicki J ***MetallonRNA: A web server for predicting metal-binding sites in RNA structures***, 17th Annual RNA Society Meeting, 14 – 18.06.2011, Kyoto, Japonia, Book of Abstracts, poster 802.
15. **Milanowska K**, Krwawicz J, Papaj P, Kosiński J, Poleszak K, Lesiak J, Osińska E, Kristian Rother K, Bujnicki J ***REPAIRtoire – a database of DNA repair pathways***, konferencja Bioinformatics in Torun (BIT11), 2-4.06.2011, Toruń, poster, Book of Abstracts, 60 s.
16. Philips A, **Milanowska K**, Rother K, Bujnicki J ***MetallonRNA: A web server for predicting metal-binding sites in RNA structures***, konferencja Bioinformatics in Torun (BIT11), 2-4.06.2011, poster, Toruń, Book of Abstracts, 65 s.
17. Bacler Z, **Milanowska K**, Bujnicki J ***DrawBioPath – a web application in javascript for creating graphical representation of metabolic pathways***. konferencja Bioinformatics in Torun (BIT11), 2-4.06.2011, Toruń, poster, Book of Abstracts, 28 s.
18. Jeleniewicz J, Zaremba P, Rother M, **Milanowska K**, Puton T, Stasiewicz J, Boniecki M, Bujnicki J, Rother K ***How to find templates and build models of M. Capricolum tRNA*** konferencja Bioinformatics in Torun (BIT11), 2-4.06.2011, poster, Toruń, Book of Abstracts, 46 s.
19. **Milanowska K**, Krwawicz J, Papaj G, Kosinski J, Poleszak K, Lesiak J, Osinska E, Rother K, Bujnicki JM ***REPAIRtoire – a database of DNA repair pathways.*** [w:] ***Nettab-BBCC 2010 Biological Wikis***, Facchiano A., Romano P., 29.11 – 1.12.2010, Neapol, praca pokonferencyjna.
20. **Milanowska K**, Balcer Z, Łukasik A, Mikołajczak K, Skorupski M, Rother K, Bujnicki J, ***RNB – a database of RNA metabolic pathways***, III Zjazd Polskiego Towarzystwa Bioinformatycznego, 1-3.10.2010, Ustroń, poster
21. **Milanowska K**, Rother K, Bujnicki J, ***RNB – a database of RNA metabolic pathways*** konferencja EURASNET Interdisciplinary Focus Meeting – "Frontiers in Structural Biology of RNAs and RNPs" 16-21.08.2010, Poznań, poster, Boof of Abstracts, 4 s.
22. **Milanowska K**, Bujnicki J ***Sequence and structure analysis of Ribonuclease III family***, I Zjazd Polskiego Towarzystwa Bioinformatycznego, 03-05.10.2008, Jadwisin, wykład
23. **Milanowska K**, Rother K, Bujnicki J, ***RNaseBase (RNB) – a database of RNases and RNA metabolic pathways*** EMBO RNA Workshop, 15-16.04.2010, Warszawa, wykład
24. **Milanowska K**, Balcer Z, Łukasik A, Mikołajczak K, Skorupski M, Rother K, Bujnicki J, ***RNaseBase (RNB) – a database of RNases and RNA metabolic pathways*** RNase Workshop, 20-22.11.2008, Kazimierz Dolny, wykład