Mateusz Maździarz

Lista Publikacji

1. Maździarz, M., Paukszto, Ł., & Sawicki, J. (2025). TAILcaller: an R package for analyzing differences in poly(A) tail length for Oxford Nanopore RNA sequencing. Bioinformatics Advances, 5(1), vbaf235. https://doi.org/10.1093/bioadv/vbaf235

2. Maździarz, M., Zając, S., Paukszto, Ł., & Sawicki, J. (2025). RSCUcaller: an R package for analyzing differences in relative synonymous codon usage (RSCU). BMC Bioinformatics, 26, Article 141. https://doi.org/10.1186/s12859-025-06166-5

3. Maździarz, M., Krawczyk, K., Szablińska-Piernik, J., Paukszto, Ł., Szczecińska, M., Sulima, P., & Sawicki, J. (2025). Epitranscriptomic and expression profiling in Riccia fluitans across diverse environmental conditions. Computational and Structural Biotechnology Journal, 27, 4232–4245. https://doi.org/10.1016/j.csbj.2025.10.002

4. Maździarz, M., Krawczyk, K., Szablińska-Piernik, J., Paukszto, Ł., Szczecińska, M., Sulima, P., & Sawicki, J. (2024). Epitranscriptome insights into Riccia fluitans L. (Marchantiophyta) aquatic transition using nanopore direct RNA sequencing. BMC Plant Biology, 24, Article 399. https://doi.org/10.1186/s12870-024-05114-4

5. Levins, J., Paukszto, Ł., Krawczyk, K., Maździarz, M., Arch, B. C., Cargill, D. C., Flores-Sandoval, E., Szablińska-Piernik, J., Sulima, P., Szczecińska, M., Kulshrestha, S., Davies, K. M., Sawicki, J., & Bowman, J. L. (2025). Evolution of sexual systems and regressive evolution in Riccia. New Phytologist, 20(454). https://doi.org/10.1111/nph.20454